

# Feladat

- Olvassuk be a kedvenc fehérjénk FASTA formátumú szekvenciáját!
- Milyen hosszú a kedvenc fehérjénk?
- Mi az első 10 aminosav?
- Hány glutamin van benne?
  - Mi az aminosav összetétele?
- Számoljuk ki a kedvenc fehérjénk kumulált töltését!
  - Aminosavak töltése:
    - $R = 1$ ,  $K = 1$ ,  $D = -1$ ,  $E = -1$ , minden más  $0$

# A .split() művelet

- A .split() művelet feldarabolja az adott stringet adott karaktereknél
  - Ha nem adunk meg semmit a feldarabolás space karaktereknél történik
- Az előző műveletekkel ellentétben a .split() egy LISTÁT eredményez.

```
$ my_string = " The quick brown fox jumps over the lazy dog!!! "  
$ my_string.strip()  
$ my_list = my_string.strip().split()  
$ print(my_list[2])
```

# Feladat

- Olvassuk be a kedvenc fehérjénk FASTA formátumú szekvenciáját, és nyerjük ki a headerből a fehérje azonosítóját!
- Nyerjük ki a headerből, hogy milyen fajból származik a fehérje!

# Feladat

- Használjuk a „/data/secondary\_structure” fájlt!
  - Milyen a fehérje másodlagos szerkezete a 100-120. aminosavak között?
  - Hol van benne leghosszabb helikális rész?
- Használjuk a „/data/disorder” fájlt!
  - Mekkora a fehérje átlagos rendezetlensége?
  - Mely pozíciók rendezetlenek?
    - Használjunk 0.5-ös küszöbértéket!